

Mehr interoperable Onkologie:

Onkologieprofile und mCode für
Deutschland

HL7 Deutschland e.V. Jahrestagung 2022



Onkologie on FHIR in DE

- Erste Gespräche: Februar 2019
- 2022 Erstellung von ersten dt. onkologischen Basisprofilen & Implementationguide
- Umfang:
 - UICC TNM - Klassifikation
 - Residualtumor- (R-)Klassifikation
 - Histopathologisches Tumor Grading
- Erster Ballot for Comments Juli 2022

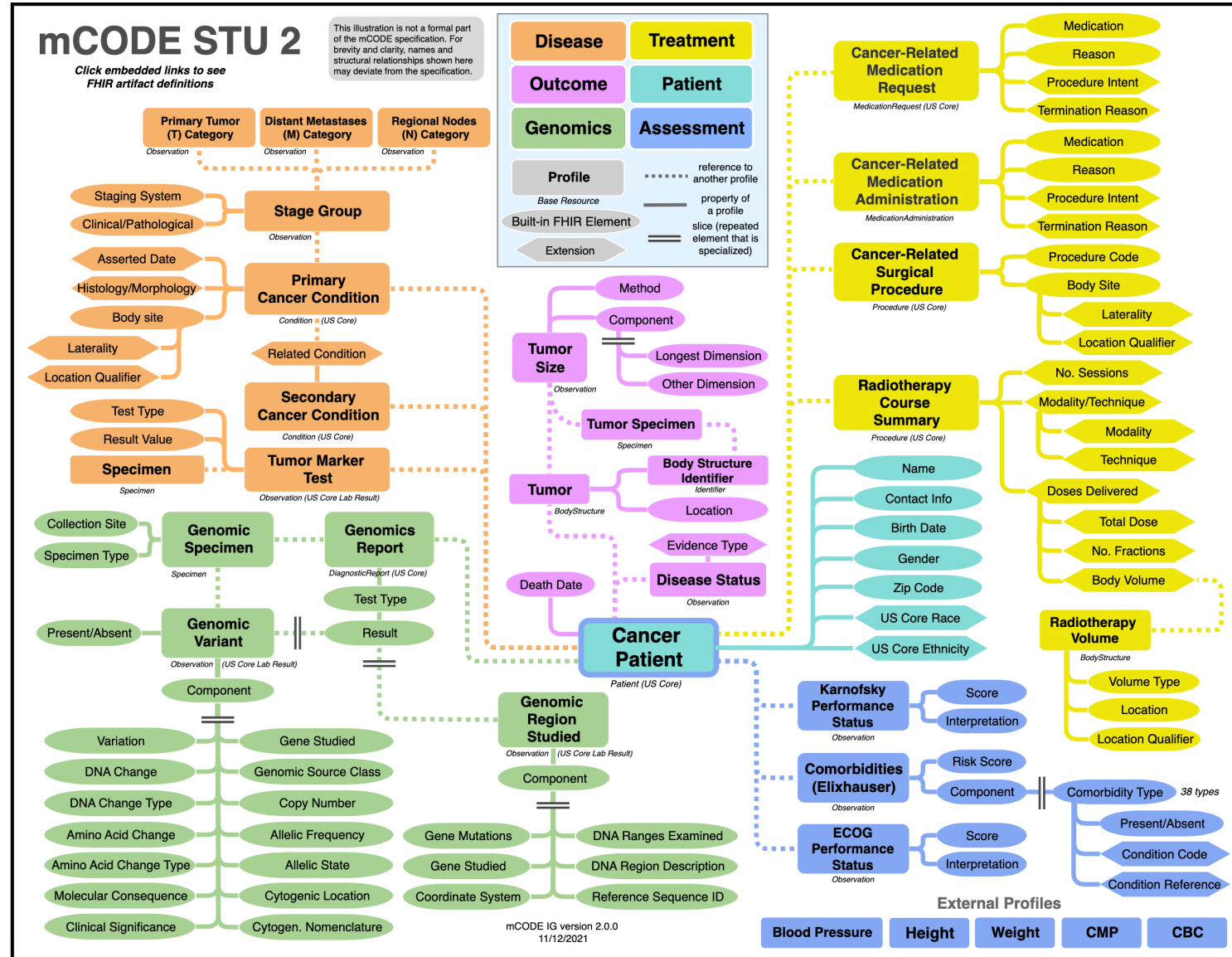
Onkologische Basisprofile

- Erstellt von Freiwilligen
- Basiert auf umfangreichen Vorarbeiten
 - [Übermittlung onkologischer Daten auf der Basis von CDA R2](#)
 - nNGM Projekt
 - GOLD Projekt
- Ballot-Reconciliation soll 2022 abgeschlossen werden

Onkologische Basisprofile - Terminologie

- HTA hat die TNM canonical url:
<https://www.uicc.org/resources/tnm> bestätigt
- NCIT hat die offizielle url:
<http://ncicb.nci.nih.gov/xml/owl/EVS/Thesaurus.owl>
zugewiesen bekommen
- HUGO Gennamen & Genfamilien URLs wurden bei HTA verabschiedet:
<http://www.genenames.org/geneId>
<http://www.genenames.org/genegroup>

mCODE



mCODE (international)

- mCODE basiert auf US Core FHIR Profilen
- Inkompatibilitäten (Auszug):
 - RxNorm kodierte Medikation
 - AJCC vs UICC Staging
 - CPT4 vs OPS
- Erste Kontakte zu MITRE zur Internationalisierung von mCode seit März 2022

mCODE (international)

- Interesse auf Arbeitsebene sehr groß
- Auf „politischer“ Ebene benötigt MITRE die Anfrage internationaler Interessenten um mCODE international rechtfertigen zu können
- IPS muss berücksichtigt werden
- Nächster Schritt:
Erstellung eines offiziellen Statements deutscher Stakeholder koordiniert durch HL7 Deutschland

Vielen Dank!

HL7 Deutschland e. V.

